

Qy	240	AGACTTATATTCTGCTTTAATCAAACCTTAACAAAGATAACTTGGGATTCCTGTTTCTGA	299
Db	1465	AGACTTATATTCTGCTTTAATCAAACCTTAACAAAGATAACTTGGGATTCCTGTTTCTGA	1524
Qy	300	CTCGTTGTTCTCAATGTGGCATTATTCTCATCCTCCACTGCTAGAGAGACTTCAAGCTTT	359
Db	1525	CTCGTTGTTCTCAATGTGGCATTATTCTCATCCTCCACTGCTAGAGAGACTTCAAGCTTT	1584
Qy	360	GAA	362
Db	1585	GAA	1587